

07. Dezember 2017

Metaplastisches Mammakarzinom: Neue Targets durch genomweite Genexpressionsanalysen

Brustkrebs-Subtypen sind aufgrund ihrer Genexpressionsprofile klassifiziert worden. Die entsprechenden Therapien der Mammakarzinom-Subtypen wurden spezifisch entwickelt und in klinischen Studien geprüft. Beim metaplastischen Mammakarzinom - ein seltener Tumor - war jedoch bislang keine Behandlung erfolgreich, da es gegen nahezu alle Chemotherapien resistent ist und bisher keine spezifischen therapeutischen Zielmoleküle bestimmt werden konnten. Japanische Wissenschaftler haben nun mit Hilfe genomweiter Genexpressionsanalysen nach weiteren Möglichkeiten für eine zielgerichtete Therapie geforscht.

Lehman et al. hatten darüber berichtet, dass Mammakarzinome mit chondroider Metaplasie zum mesenchymalem Tumortyp (M-Typ) zählen, der einer von 6 triple-negativen Brustkrebs-Subtypen ist. Auf Grundlage dieser Veröffentlichung wurde von japanischen Wissenschaftlern die Hypothese aufgestellt, dass mit Hilfe vorhandener Daten von Genexpressionsprofilen unterschiedlicher Brustkrebstypen - mit oder ohne Knorpelbildung - die Identifizierung von zielgerichteten Genen zur Behandlung des metaplastischen Mammakarzinoms, insbesondere bei Brustkrebs mit knorpeligem, mesenchymalen Tumortyp, möglich ist.

Bei den bioinformatischen Analysen von TNBC-Datensätzen im Vergleich mit den Datensätzen des metaplastischen Mammakarzinoms wurden bei über 200 Genen bei Brustkrebs mit chondroider Metaplasie spezifische Veränderungen gesehen. Gleichzeitig gab es 57 überlappende Gene zwischen chondroider Metaplasie und M-Typ, die als negative Prognosefaktoren beim metaplastischen Mammakarzinom in Erwägung gezogen werden können.

Die Expression der Gene SCRG1, CD86, HCLS1, EPSTI1, LYZ, und SLA war beim chondroiden metaplastischen Mammakarzinom signifikant erhöht - was nahelegt, dass diese Gene für eine zielgerichtete Therapie in Frage kommen könnten. Weitere Studien sind allerdings notwendig, um das metaplastische Mammakarzinom mit zielgerichteten Medikamenten erfolgreich behandeln zu können.

(übers. v. siko)

Yamashita M, Kamei Y, Kusakabe E et al. Exploring novel therapeutic target molecules for metaplastic breast carcinoma using comprehensive genome-wide gene expression analyses. Poster Session 2: Tumor cell and molecular biology: Molecular Profiles; 7.12.2017

Quelle: SABCS 2017